

GenCore version 5.1.6  
Copyright (c) 1993 - 2003 Compugen Ltd.

OM nucleic - nucleic search, using sw model

Run on: August 19, 2003, 09:47:44 ; Search time 340 Seconds

4981.082 Million cell updates/sec

```

Title: US-09-494-297-1
Perfect score: 2274
Sequence: 1 atgaaaaaacagtttc.....gataagaacaatgactag 2274

```

Scoring table: IDENTITY\_NUC  
Gapop 10.0 , Gapext 1.0

Searched: 738101 seqs, 372376393 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 1476202

```
Minimum DB seq length: 0
Maximum DB seq length: 20000000000
```

Post-processing:	Minimum match 0%
	Maximum match 100%

Listing first 45 summaries

Database : Pending\_Patents\_NA\_New:\*

```

1: /cgr2.6.prod/data/2/pna/PT_NEW_CONB.seq: *
2: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US05_NEW_CONB.seq:
3: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US07_NEW_CONB.seq:
4: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US08_NEW_CONB.seq:
5: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US09_NEW_CONB.seq:
6: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US10_NEW_CONB.seq:
7: /cgr2.6.prod/data/2/pna/US60_NEW_CONB.seq:

```

**Pried.** NO. is the number of results predicted by chance to have a score greater than or equal to the score of the result being printed and is derived by analysis of the total score distribution.

## SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match	length	DB	ID	Description
C 1	57.4	2.5	13831263	5	US-09-947-914-41	Sequence 41, Appl
2	56.6	2.5	32392	5	US-09-662-254B-27	Sequence 27, Appl
3	53.2	2.3	1575	6	US-10-603-114-615	Sequence 615, App
4	53	2.3	494	6	US-10-357-930-10012	Sequence 10012, A
C 5	52.4	2.3	6106	6	US-10-257-166B-113	Sequence 113, App
C 6	52.2	2.3	50000	5	US-09-662-254B-26	Sequence 26, Appl
C 7	51.4	2.3	429	6	US-10-603-114-707	Sequence 707, App
C 8	51.2	2.2	4985	5	PCT-US03-07174-10	Sequence 10, Appl
C 9	49.8	2.2	50000	5	US-09-662-254B-23	Sequence 23, Appl
C 10	49.4	2.2	50000	5	US-09-662-254B-25	Sequence 25, Appl
C 11	49.4	2.2	1233	6	US-10-603-113-3504	Sequence 3504, App
C 12	48	2.1	9728	6	US-10-257-166B-174	Sequence 174, App
C 13	47.8	2.1	32392	5	US-09-662-254B-27	Sequence 27, Appl
C 14	46.8	2.1	642	6	US-10-603-113-4755	Sequence 4755, App
15	46.4	2.0	840	7	US-60-480-590-6069	Sequence 6069, App
16	46.4	2.0	1099	7	US-60-480-590-4338	Sequence 4338, App
C 17	45.8	2.0	50000	5	US-09-662-254B-25	Sequence 25, Appl
18	45	2.0	1410	5	US-09-662-254B-33	Sequence 33, Appl
C 19	45	2.0	50000	5	US-09-662-254B-24	Sequence 24, Appl
C 20	45	2.0	50000	5	US-09-662-254B-24	Sequence 24, Appl
21	44.8	2.0	729	6	US-10-603-114-1761	Sequence 1761, App
C 22	44.8	2.0	50000	5	US-09-662-254B-26	Sequence 26, Appl
C 23	44.6	2.0	15247	6	US-10-257-166B-145	Sequence 145, App
24	44.4	2.0	30079	7	US-60-485-450-12206	Sequence 12206, A
C 25	44.2	1.9	843	6	US-10-603-113-5526	Sequence 5526, App
C 26	43.8	1.9	519	6	US-10-626-717-6211	Sequence 6211, App

27	43.8	1.9	1110	6	US-10-603-113-2045	Sequence 2045, App
28	43.8	1.9	8059021	5	US-09-947-914-53	Sequence 53, App
29	43.4	1.9	639	6	US-10-603-113-720	Sequence 720, App
30	43.4	1.9	15479	6	US-10-257-166B-45	Sequence 45, App1
31	43.2	1.9	2094	6	US-10-603-113-12560	Sequence 12560, A
32	43.2	1.9	12136	6	US-10-257-166B-116	Sequence 116, App
33	43	1.9	8776	6	US-10-257-166B-150	Sequence 150, App
34	43	1.9	13784	6	US-10-257-166B-143	Sequence 144, App
35	43	1.9	50000	5	US-09-662-254B-23	Sequence 23, App1
36	42.8	1.9	687	6	US-10-603-113-866	Sequence 866, App
37	42.8	1.9	5391	6	US-10-257-166B-19	Sequence 19, App1
38	42.6	1.9	2538	6	US-10-603-113-1291	Sequence 1291, App
39	42.6	1.9	3545	6	US-10-357-930-23217	Sequence 23217, A
40	42.6	1.9	3545	6	US-10-357-930-29089	Sequence 29089, A
41	42.4	1.9	7892	6	US-10-257-166B-138	Sequence 138, App
42	42	1.8	74079	7	US-60-487-610-19261	Sequence 19261, A
43	42	1.8	229915	7	US-60-485-450-11981	Sequence 11981, A
44	41.8	1.8	460	6	US-10-357-930-50189	Sequence 50189, A
45	41.8	1.8	575	6	US-10-626-717-6405	Sequence 6405, App

## ALIGNMENTS

## RESULT 1

```

Sequence 41: Application US/09g47914
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: VENTER, J Craig
TITLE OF INVENTION: COLLECTION OF SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM (SNPS) LOCATED ON
TITLE OF INVENTION: 21, METHODS OF DETECTION, AND USES THEREOF
FILE REFERENCE: CL001298
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/947,914
CURRENT FILING DATE: 2001-09-07
NUMBER OF SEQ ID NOS: 75
SEQ ID NO 41
LENGTH: 13831263
TYPE: DNA
ORGANISM: HUMAN
FEATURE:
NAME/KEY: misc_feature
LOCATION: (1)..(13831263)
OTHER INFORMATION: n = A,T,C or G
US-09-947-914-41

```

## Query Match

Query Match	2.5%	Score	57.4	DB	5	Length	13831265
Best Local Similarity	51.5%	Pred. No.	0.00063				
Matches	156	Conservative	0	Mismatches	146	Indels	1
						Gaps	1

[illegible]



Oy 1335 AACCAACCTCGAATTTAAAGATGCTAAAGCAACCACTTAATTTAAACATG 1984  
 || | | | | | | | | | | | | | | | |  
 Db 909 TGATAATTTAACTTAGAAATGATTAATGCTAACTTAATATATAAAGG 958

RESULT 4  
US-10-357-930-10012

```

Sequence 10012, Application US/10357930
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Schlegel, Robert
APPLICANT: Endege, Wilson
APPLICANT: Monahan, John
TITLE OF INVENTION: NOVEL GENES, COMPOSITIONS, KITS, AND METHODS FOR
TITLE OF INVENTION: IDENTIFICATION, ASSESSMENT, PREVENTION, AND THERAPY OF
TITLE OF INVENTION: HUMAN PROSTATE CANCER
FILE REFERENCE: MRI-007BCN
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/357,930
CURRENT FILING DATE: 2003-02-04
PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/785,276
PRIOR FILING DATE: 2003-02-16
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/183,319
PRIOR FILING DATE: 2000-02-17
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/189,862
PRIOR FILING DATE: 2000-03-16
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/207,454
PRIOR FILING DATE: 2000-05-25
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/211,314
PRIOR FILING DATE: 2000-06-09
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/219,007
PRIOR FILING DATE: 2000-07-18
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/255,281
PRIOR FILING DATE: 2000-12-13
NUMBER OF SEQ ID NOS: 62232
SOFTWARE: FastSeq for Windows Version 4.0
SEQ ID NO 10012
LENGTH: 494
TYPE: DNA
ORGANISM: Homo sapiens
US-10-357-930-10012

```

Query Match	2.3%	Score 53;	DB 6;	Length 494;
Best Local Similarity	48.2%	Pred. NO. 0.00033;		
Matches 149; Conservative	0;	Mismatches 160;	Indels 0;	Gaps 0;

[illegible]

RESULT 5  
US-10-257-166B-113/c  
; Sequence 113, Application US/10257166B

```

: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: OLEK, Alexander
: APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian
: APPLICANT: BERLIN, Ruit
: TITLE OF INVENTION: Method and Nucleic Acids for Analysing the Methylation of
: TITLE OF INVENTION: Genes Implicated in Pharmacogenomics
: FILE REFERENCE: 5013.1011
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/257.166B
: CURRENT FILING DATE: 2002-10-07
: PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07470
: PRIOR FILING DATE: 2001-06-29
: PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
: PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
: PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
: PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 178
: SEQ ID NO 113
: LENGTH: 6106
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Homo sapiens
: FEATURE:
: OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA
: US-10-257-166B-113

```

Query Match	2.3%;	Score 52.4;	DB 6;	Length 6106;
Best Local Similarity	46.7%;	Pred. No. 0.001;		
Matches 271;	Conservative 0;	Mismatches 301;	Indels 8;	Gaps 3

QY	1544	TATATATATTTCACGATGATGTGCTGATTAAGATTAAGGATTAACCAACGATATCATGGTT	1603
Db	2939	TATATATATATTTATATATATTTATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT	2880
QY	1604	TTGGAGACATGAATGATGTAGTCTTACGATTTGCTAAATCTGTAGAAATCCGCTCAAG	1663
Db	2879	ATATTCATATATATATATATATATTTAAATTTTAAATATATATTTAAATATATATTTATA	2820
QY	1664	ATAGTAATCCGTCACAGCTAACGTGACCTTGATTTCTTAATTCGATAACATAAATATC	1723
Db	2819	TTAAT - ATAAAT	2765
QY	1724	AATCTTATTTGGAACTAGTGGCATCCAGAAGATTTAGTGATATTTATTCGTATGCAAG	1783
Db	2760	ATTTATTTATTTAT	2703
QY	1784	ATAAAAAAGAAGTATATACCTGTAATCTATATTTAACATTTGAGAAAAACGGACCTGGT	1843
Db	2700	ATATTTAAAAAACTAAAAATATTAACCTTTAATACATTTTTT - - - - - AATATTTTCTTTAA	2644
QY	1844	TAGCTGGTGACAGAACTAAAGATTTCCATTTTGAATTTGAATTAATAAATAATATAAGCAAG	1903
Db	2645	CTCTTAAAAAACCAAAAAACCATTTAAATATAAAAACATTTTCATCAATAAAAAAAACAATAT	2586
QY	1904	AATTCGTTTCCAAACCTTTAAACAGATTAACCAACACCTCGAATTTTAAAGATGGTAAAG	1963
Db	2585	AACATATATATATTTACTTTATACACATATTTATCTTATTTAAAAATTAACATATAAAAA	2520
QY	1964	CAATCCATTAATTTTAAACATGGGGAAGTTTAAACCTCAAGGTTTACCAGAGGTTAT	2023
Db	2525	CAAAAAACAAAATCAAAAAAACCAATCAAAAAACATTTACACAAATTTCCATATAAAAAT	2466
QY	2024	CTTACCTTGTCAAAGAAACAGATTCGTAAGGCTATTAAGTTTAAAGTTAATAGCCAGAAG	2083
Db	2465	ATACTTAATCAAAAAAACCTTATTAACATACCAATTA - - CTAAAAAAAACATAAAAAA	2408
QY	2084	TAGCAAAATGCTACAGTTTCAAAAAACGAGATTAACAGTGA	2123
Db	2407	TTAAAAATTAAAAAATTTTAAACGATCTATATATAAATA	2368

RESULT 6  
US-09-662-254B-26/c  
; Sequence 26, Application US/09662254B  
; GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: Moyer, Richard W.  
 APPLICANT: Li, Yi  
 APPLICANT: Bawden, Alison Louise  
 TITLE OF INVENTION: Materials and Methods for Delivery and Expression of Heterologous  
 FILE REFERENCE: US-22131X1  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/662,254B  
 PRIOR FILING DATE: 2000-09-14  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/086,651  
 PRIOR FILING DATE: 1998-05-29  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/224,479  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 80  
 SOFTWARE: PatentIn version 3.1  
 SEQ ID NO: 26  
 LENGTH: 50000  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Amsacta moorei entomopoxvirus  
 US-09-662-254B-26

Query Match 2.3%; Score 52.2; DB 5; Length 50000;  
 Best Local Similarity 44.0%; Pred. No. 0.0023;  
 Matches 222; Conservative 0; Mismatches 283; Indels 0; Gaps 0;

QY 1620 TAGACTTTGACAGTTCCTAAATCCTTGATGATGACCTCAAGATGTAATCCTCCACA 1679  
 DB 4976 TAAATATTTTCACTAATTAATTCGATTAATAATATTAATGAATATATATATTTT 4917  
 QY 1680 GCTAATGACCTGATTTCTTATTCGATTAATAATATTAATGATATCTTATTTGAC 1739  
 DB 4916 AATATATGAAATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4857  
 QY 1740 TCACTGACATCCAGATGATTAATGATTAATGATTAATGATTAATGATTAATGATTA 1799  
 DB 4856 AGACAGCTTAACAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4797  
 QY 1800 ACCGTAACTCATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1859  
 DB 4796 AGATATTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4737  
 QY 1860 TAAAGATTTCAATTTGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1919  
 DB 4736 TTAATGTTTGGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4677  
 QY 1920 TGTAAACAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1979  
 DB 4676 AATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4617  
 QY 1980 ACATGGGAAAGTTTAACCTTCAAGTTTACCAAGAGTTTATTTTCACTTGTCAAGA 2039  
 DB 4616 CAATGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4557  
 QY 2040 AACAGATTTGAAAGGCTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2099  
 DB 4556 TACAAAGATTTGCTTAAGGTTTCAAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4497  
 QY 2100 TTCAAAAACAGATTAACAGTAT 2124  
 DB 4496 TAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4472

RESULT 7  
 US-10-603-114-707/c  
 Sequence 707, Application US/10603114  
 GENERAL INFORMATION:  
 APPLICANT: GARY BRETON  
 TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO PROTEUS MIRABILIS  
 FILE REFERENCE: 2709.1002-001  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603,114  
 CURRENT FILING DATE: 2003-06-24  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543,681  
 PRIOR FILING DATE: 2000-04-05

PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/128,706  
 PRIOR FILING DATE: 1999-04-09  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 8344  
 SEQ ID NO: 707  
 LENGTH: 429  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Proteus mirabilis  
 US-10-603-114-707

Query Match 2.3%; Score 51.4; DB 6; Length 429;  
 Best Local Similarity 46.5%; Pred. No. 0.0008;  
 Matches 166; Conservative 0; Mismatches 191; Indels 0; Gaps 0;

QY 1628 TAGCAGTGTGTAATTCCTGTGATTAATGCTCAAGATGTAATCCTCAAGCTAATG 1687  
 DB 385 TAGAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 326  
 QY 1688 ACCTGATTTCTTATTCCTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1747  
 DB 325 ATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 266  
 QY 1748 ATCCAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1807  
 DB 265 ATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 206  
 QY 1808 CTCATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1867  
 DB 205 ATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 146  
 QY 1868 TCCATTTTGAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1927  
 DB 145 AAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 86  
 QY 1928 CAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1984  
 DB 85 TAGAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 29

RESULT 8  
 PCT-US03-07174-10/c  
 Sequence 10, Application PC/TUS0307174  
 GENERAL INFORMATION:  
 APPLICANT: VANDERBILT UNIVERSITY  
 TITLE OF INVENTION: ARRESTIN GENE, POLYPEPTIDE, AND METHODS OF USE THEREOF  
 FILE REFERENCE: N9267  
 CURRENT APPLICATION NUMBER: PCT/US03/07174  
 PRIOR FILING DATE: 2003-05-12  
 PRIOR APPLICATION NUMBER: 10/094,240  
 NUMBER OF SEQ ID NOS: 27  
 SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1  
 SEQ ID NO: 10  
 LENGTH: 4985  
 TYPE: DNA  
 ORGANISM: Anopheles gambiae  
 PCT-US03-07174-10

Query Match 2.3%; Score 51.2; DB 1; Length 4985;  
 Best Local Similarity 43.9%; Pred. No. 0.002;  
 Matches 266; Conservative 0; Mismatches 338; Indels 2; Gaps 1;

QY 1324 AAAACATGACCTCAGACTTACCAACAGAGTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1383  
 DB 2924 ATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2865  
 QY 1384 GACCTTTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1443  
 DB 2864 AATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2805  
 QY 1444 ATCAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1503  
 DB 2804 AAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2745



QY 1484 AAGCTATGAGTATAGTGGTCTAAGACACAAATGGCGGCTACTGACATTAGCAA 1543  
DB 16324 TAAAAAATTAATTTGGTGTGTACATTAATGATTTAATTAATATATACAAAAAAT 16265  
QY 1544 TATATTTTTCACGATAGCGCTGAATTTAGTAAAGCACTAAAGACATATGCTT 1603  
DB 16264 TAAATTTAATTAATGATCTAGGGTATGATTTATGAAAAAATTTACATATAGT 16205  
QY 1604 TTGAGACATGATAGTATGATTTAGCAGTGTCTAAATCCCTGTGAATACCTCAAG 1663  
DB 16204 TGGAGAAATTAATGATTAATCTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 16145  
QY 1664 ATAGTAATCCCTCCACAGCTAAGCTGATTTCTTATTCGAAATTAATTAATATC 1723  
DB 16144 TTCTATATATCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 16085  
QY 1724 AATCTTATTTGACACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACG 1774  
DB 16084 TTTTATTTAGGATATCAATATGATATGATATGATATGATATGATATGATAT 16025  
QY 1775 GTATGAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1834  
DB 16024 TTCTACACATCAATGATATTTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 15965  
QY 1835 TGACTGTTTACGCTGACAGACAACTAAGATTTTCAATTTGAATTTGAATTAATA 1894  
DB 15964 ATACTAATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 15905  
QY 1895 ATAGCAAGATTTCTTTTCAAACTGTAAACAGATTAACAAACCTCGAATTTAAG 1934  
DB 15904 AATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 15849  
QY 1955 ATGTTAAGCAACCTTAATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2014  
DB 15848 AATTTACATCTGATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 15789  
QY 2015 AAGTTATCTTACCTTGTCAAGAAACAGATTTCTGAAGCTATAGGTTAAGCTTA 2074  
DB 15788 TCGAAAAATGATTAAGCTATACCTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 15729  
QY 2075 GCCAGAGATGACAAATGCTACAGTTTCAAAAACAGATTAACAGATGACAGACT 2134  
DB 15728 TTAATTTATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 15669  
QY 2135 CTTTGAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2194  
DB 15668 TTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 15609  
QY 2195 ATCTAGCTTTGATAG 2209  
DB 15608 ATTAAACCCCTTAG 15594

RESULT 11  
; Sequence 3504, Application US/10603113  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: Keith Weinstock et al  
; TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO CANDIDA ALBICAN  
; TITLE OF INVENTION: FOR DIAGNOSTICS AND THERAPEUTICS  
; FILE REFERENCE: 107196.132  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603.113  
; PRIOR FILING DATE: 2003-06-24  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/248,796  
; PRIOR FILING DATE: 1999-02-12  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 28206  
; SEQ ID NO 3504  
; LENGTH: 1233  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Candida albicans  
; FEATURE:  
; NAME/KEY: unsure  
; LOCATION: (94),(195)

; OTHER INFORMATION: Identify of nucleotide sequences at the above locations are un  
US-10-603-113-3504  
Query Match  
Best Local Similarity 45.6%; Score 49.4; DB 6; Length 1233;  
Matches 173; Conservative 0; Mismatches 206; Indels 0; Gaps 0;  
QY 1842 TTTAGCTGTCAGACAACTAAGATTTCCATTTTGAATTTGAATTAATTAATTAATTA 1901  
DB 615 TTTTACGTCGATTTTAACTAATGCTGAATTAATTTAATTAATTAATTAATTAATTA 674  
QY 1902 AGAATGCTTTTCGAACTGTAAACAGATTAACAAACCTCGAATTTAAGATGTTAA 1961  
DB 675 AGAATGCTTTTCTTATTTATTTCAATTTAGCTTTGTATTAATTAATTAATTAAT 734  
QY 1962 AGCAGCATTAATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2021  
DB 735 ATTAGCTAATGAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 794  
QY 2022 TTCTTACCTTGTCAAGAAACAGATTTCTGAAGCTATAGGTTAATTAATTAAGCCA 2081  
DB 795 TAAATTAATTAATTAATTAATTTAGCTGAATTAAGGATATTCAGAGCTCTGTAAACA 854  
QY 2082 AGTAGCAATGCTACAGTTTCAAAAACAGAAATTAACAGATGATGAGACACTTGT 2141  
DB 855 TGAATTTGCTTCTGATTAACAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 914  
QY 2142 AATAATTAAGAGCTTTGCTTCTACAGAGATGATCAAAAGATCAATGCTATACG 2201  
DB 915 AATTAAATGAAGCAAGCTTTATCTGATGAAGATCTTTGAAAAATTTGTTAAGCTGA 974  
QY 2202 TTGATAGTTATGCTGCT 2220  
DB 975 ATTATTAAGTAAAGCTTGT 993

RESULT 12  
US-10-257-166B-174/c  
; Sequence 174, Application US/10257166B  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: OLEK, Alexander  
; APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian  
; APPLICANT: BERLIN, Kurt  
; TITLE OF INVENTION: Method and Nucleic Acids for Analysing the Methylation of  
; TITLE OF INVENTION: Genes Implicated in Pharmacogenomics  
; FILE REFERENCE: 5013.1011  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/257,166B  
; PRIOR FILING DATE: 2002-10-07  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07470  
; PRIOR FILING DATE: 2001-06-29  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7  
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-30  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1  
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-01  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 178  
; SEQ ID NO 174  
; LENGTH: 9728  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Homo sapiens  
; FEATURE:  
; OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA  
US-10-257-166B-174  
Query Match  
Best Local Similarity 52.0%; Score 48; DB 6; Length 9728;  
Matches 132; Conservative 0; Mismatches 120; Indels 2; Gaps 1;  
QY 1866 TTTCCATTTTGAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1925  
DB 8753 TTTCCATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 8694  
QY 1926 AACGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1985

Db 8693 AAAAACTTAATAAAAAATATACAAAAATTTATACACATATTTACCCAAATTT 8634  
Qy 1986 GGAAGTTTACACTTCAAGTTTACGAGAAGTTATCTTACCTTGCAAGAAACGA 2045  
Db 8633 TAAAAAACAACAA--CAATTTTATACCTTAATAATTTTAAACATTTTACCACAAATA 8576  
Qy 2046 TTCTGAAGCTATATAGTTTAAGTTATAGCCAGAAATAGCAAAATGCTAGAGTTTCAA 2105  
Db 8575 CCAAAAAAACCTCAAAACCAATATATATACCTATATATCTTAACACCTTTAA 8516  
Qy 2106 AACAGAAATACAA 2119  
Db 8515 AACCAAAATAAAA 8502

RESULT 13  
US-09-662-254B-27/c  
; Sequence 27, Application US/09662254B  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: Moyer, Richard W.  
; APPLICANT: LI, Yi  
; APPLICANT: Bawden, Alison Louise  
; TITLE OF INVENTION: Materials and Methods for Delivery and Expression of Heterologous  
; FILE REFERENCE: UF-221C1XCI  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/662,254B  
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-14  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/086,651  
; PRIOR FILING DATE: 1998-05-29  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/224,479  
; PRIOR FILING DATE: 2000-08-10  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 80  
; SOFTWARE: PatentIn version 3.1  
; SEQ ID NO: 27  
; LENGTH: 32392  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Amsacta moorei entomopoxvirus  
US-09-662-254B-27

Query Match 2.1%; Score 47.8; DB 5; Length 32392;  
Best Local Similarity 42.5%; Pred. No. 0.027;  
Matches 311; Conservative 0; Mismatches 417; Indels 3; Gaps 1;

Qy 1543 ATATATTTTTCAGTATGTCGATTTAGATTAAGTAACATAAAGTATGATGCT 1602  
Db 16252 ACAATATATGACTTATAGTAGATGTATTTAGAAATATCAATATATATATTC 16193  
Qy 1603 TTGGAGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1662  
Db 16192 GTTGATTCGAAATAGAAATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 16133  
Qy 1663 GATGATATCTCTCCACAGCTTACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1722  
Db 16132 GAAATATATATATTTTATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 16073  
Qy 1723 CAATCTCTTATGAGTACGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1782  
Db 16072 AATGTTTTTAAAT 16013  
Qy 1783 GATTAATAAAGATTTATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1842  
Db 16012 AATTTTATTAAT 15953  
Qy 1843 TTACGT--GGTGCAGACATTAAGATTTTCAATTTTGAATTTGAATTTAAATATAT 1899  
Db 15952 ATTAATTTATATTTTAAATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 15893  
Qy 1900 CAAGATTTCTTTCACATGTTAAACATTAACAAACCTGATGATTTAAAGATGCT 1959  
Db 15892 TTTAAATATGATTTTCACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 15833  
Qy 1960 AAAGCAACATTAATTTTAAACATGCGAAAGTTTAAACATTTTAAACATTTTAA 2019  
Db 15833

Db 15832 AAATATTTTCTAATATATATAAATAATAGATATGATGATTTTATATTTTGAATTAAT 15773  
Qy 2020 TATTTTACCTTTGTCAGAAAGACATTTCTGAGGCTTAAAGTTAATATAGCCAA 2079  
Db 15772 TATTTTTCGATTAAT 15713  
Qy 2080 GAAGTACGAATGCTACAGTTTCAAAAACAGAAATTAACAGATGAGACACCTGCTTT 2139  
Db 15712 GAATTAATATAGTACGCTGAATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15653  
Qy 2140 GAAATATATTAAGACCTGTTGTTCTCAGAGAGTTGATCAAAAGATCAATGCTATCTA 2199  
Db 15652 CAACAAAT 15593  
Qy 2200 GCTTGAATGATTTATGCTGATATCACTTTGGGAGATCTGGGAATTCACACATTAAGATA 2259  
Db 15592 TTTATATATATTAATGTTTATTAACATATATATATATATATATATATATATATAT 15533  
Qy 2260 AGAAACATGA 2270  
Db 15532 ATTAATAATTTA 15522

RESULT 14  
US-10-603-113-4755  
; Sequence 4755, Application US/10603113  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: Keith Weinstein et al  
; TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO CANDIDA ALBI  
; FILE REFERENCE: 107196.132  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603,113  
; PRIOR FILING DATE: 2003-06-24  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/248,796  
; PRIOR FILING DATE: 1999-02-12  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 28206  
; SEQ ID NO: 4755  
; LENGTH: 642  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Candida albicans  
US-10-603-113-4755

Query Match 2.1%; Score 46.8; DB 6; Length 642;  
Best Local Similarity 46.6%; Pred. No. 0.014;  
Matches 150; Conservative 0; Mismatches 172; Indels 0; Gaps 0;

Qy 1860 TAAAGATTTCCATTTTGAATTTGAATTTGAATTTGAATTTGAATTTGAATTTGA 1919  
Db 315 TAAATATATTTTATTAAGAAATATATATATATATATATATATATATATATATAT 374  
Qy 1920 TGTTAACACAGATTAACAAACCTGCAATTTTAAAGATGCTAAACCATTAATTTAA 1979  
Db 375 TGTGATATCAAGAAAGAAACAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 434  
Qy 1980 ACATGCGAAGATTTTCACTTCAAGTTTCCAGAAAGTATTTCTGCTGTCAGAA 2039  
Db 435 GAATGACATGATCAATTAATTAAGATTTTAAATCAAAACATATTAACATTAACAA 494  
Qy 2040 AACAGATTTCTGAGGCTTAAAGTTTAAATTAATTAAGCAAGATGCAAAATGCTACAGT 2099  
Db 495 CAATGCTACATCAAGCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 554  
Qy 2100 TTCAAAACAGATTAACAGATGATGACACCTGCTTTGAAATTAATTAAGACCTGT 2159  
Db 555 TAATGCACTTCAAGATCAATTAAGAAATGATTAATTAACATTAACATTAATTAAT 614  
Qy 2160 TGTTCCTACAGAGTTGATCAA 2181  
Db 615 TGATCTACAGAGAGAGAGAA 636

RESULT 15  
US-60-480-590-6069

